

*Eine Zeitschrift der Gesellschaft Deutscher Chemiker*

**[www.angewandte.de](http://www.angewandte.de)**

**2010-122/11**



... großer Proteinsysteme gelingt nur nach gezielter Protonierung ausgewählter Positionen vor einem perdeutierten Hintergrund. In der Zuschrift auf S. 2002 ff. von J. Boissbouvier et al. wird eine Acetolactatvorstufe vorgestellt, um biosynthetisch  $^{13}\text{C}^1\text{H}_3$ -Gruppen spezifisch in die pro-*S*-Methyl-Positionen von Leucin und Valin einzuführen. Dieses Markierungsverfahren verbessert die Spektrenqualität erheblich und schafft eine einfache und effiziente Grundlage für die Anwendung von Lösungs-NMR-Techniken auf komplexe Biomoleküle.



WILEY-VCH

## Innentitelbild

**Pierre Gans, Olivier Hamelin, Remy Sounier, Isabel Ayala,  
M. Asunción Durá, Carlos D. Amero, Marjolaine Noirclerc-Savoye,  
Bruno Franzetti, Michael J. Plevin und Jérôme Boisbouvier\***

**NMR-Spektroskopie** großer Proteinsysteme gelingt nur nach gezielter Protonierung ausgewählter Positionen vor einem perdeutierten Hintergrund. In der Zuschrift auf S. 2002 ff. von J. Boisbouvier et al. wird eine Acetolactatvorstufe vorgestellt, um biosynthetisch  $^{13}\text{C}^1\text{H}_3$ -Gruppen spezifisch in die pro-*S*-Methyl-Positionen von Leucin und Valin einzuführen. Dieses Markierungsverfahren verbessert die Spektrenqualität erheblich und schafft eine einfache und effiziente Grundlage für die Anwendung von Lösungs-NMR-Techniken auf komplexe Biomoleküle.

